

**Tabella 1:** Attività complessiva di caratterizzazione genetica prodotta dal progetto DUALBREEDING, differenziata per singola razza e per tipologia di chip.

<b>Razza</b>	<b>33 k</b>	<b>54 k</b>	<b>65 k</b>	<b>100 k</b>	<b>150 k</b>	<b>Totale</b>
<b>Pezzata Rossa Italiana</b>	0	0	64	0	1638	1702
<b>Valdostana</b>	0	0	0	1171	0	1171
<b>Grigio Alpina</b>	316	0	0	0	22	338
<b>Rendena</b>	0	0	0	0	388	388
<b>Reggiana</b>	0	0	0	0	572	572
<b>Agerolese</b>	0	0	0	0	9	9
<b>Burlina</b>	0	0	0	0	6	6
<b>Cabannina</b>	0	0	0	0	36	36
<b>Cinisara</b>	0	0	0	0	76	76
<b>Garfagnina</b>	0	0	0	0	0	0
<b>Modenese</b>	0	0	0	0	85	85
<b>Modicana</b>	0	0	0	0	85	85
<b>Pezzata Rossa d'Oropa</b>	0	0	0	276	0	276
<b>Pinzgauer</b>	0	0	0	0	167	167
<b>Pustertaler Sprinzen/Barà</b>	0	0	0	0	59	59
<b>Varzese</b>	0	0	0	0	0	0
<b>Totale</b>	316	0	64	1282	3092	4763

**Tabella 2:** Chip utilizzati nel progetto Dual Breeding.

<b>Abbreviazione</b>	<b>Nome esteso</b>	<b>Laboratorio</b>
65 k	Axiom® BovMDv3	AGROTIS
33 k	GeneSeek® Genomic Profiler™ Bovine LDv4	AGROTIS
54 k	Illumina® BovineSNP50 Custom for Simmental	GENECONTROL
100 k	GeneSeek® Genomic Profiler™ GGP Bovine 100K	NEOGEN
150 k	GeneSeek® Genomic Profiler™ Bovine HDv3	AGROTIS