

**Tabella 1:** Attività complessiva di caratterizzazione genetica prodotta dal progetto DUALBREEDING, differenziata per singola razza e per tipologia di chip. Fase 2.

<b>Razza</b>	<b>33 k</b>	<b>54 k</b>	<b>65 k</b>	<b>100 k</b>	<b>150 k</b>	<b>180 k</b>	<b>Totale</b>
<b>Pezzata Rossa Italiana</b>		2729			64		2793
<b>Valdostana</b>	1500			4379	437		6316
<b>Grigio Alpina</b>	650				57		707
<b>Rendena</b>					1003		1003
<b>Reggiana</b>					924	288	1212
<b>Agerolese</b>					9		9
<b>Burlina</b>					38		38
<b>Cabannina</b>					48		48
<b>Cinisara</b>					132		132
<b>Garfagnina</b>						0	0
<b>Modenese</b>					257		257
<b>Modicana</b>					135		135
<b>Pezzata Rossa d'Oropa</b>				649			649
<b>Pinzgauer</b>					289		289
<b>Pustertaler Sprinzen/Barà</b>					290		290
<b>Varzese</b>						0	0
<b>Totale</b>	2150	2729	0	5028	3683	288	13878

**Tabella 2:** Chip utilizzati nel progetto Dual Breeding.

<b>Abbreviazione</b>	<b>Nome esteso</b>	<b>Laboratorio</b>
65 k	Axiom® BovMDv3	AGROTIS
33 k	GeneSeek® Genomic Profiler™ Bovine LDv4	AGROTIS
54 k	Illumina® BovineSNP50 Custom for Simmental	GENECONTROL
100 k	GeneSeek® Genomic Profiler™ GGP Bovine 100K	NEOGEN
150 k	GeneSeek® Genomic Profiler™ Bovine HDv3	AGROTIS